

خواهشمند است تمامی موارد ذکر شده در این راهنما به دقت مطالعه و رعایت شود. در صورت عدم رعایت موارد ذکر شده، تعیین توالی نمونه ها با تاخیر انجام خواهد شد.

- ۱- حتما قبل از ارسال نمونه، مقدار کمی از آن را روی ژل برده و با مقایسه با نشانگر (Ladder) از اختصاصیت محصول مورد نظر مطمئن شوید. برای هر نمونه حداقل ۲۵-۲۰ میکرولیتر مورد نیاز می باشد.
- ۲- حداقل مقدار نمونه برای پلاسمید ۱۰۰ ng/ul، برای تعیین توالی ۱6s ۳۰-۵۰ نانو گرم، محصول PCR خالص سازی شده ۵۰ ng/ul، محصول PCR غیر خالص سازی شده ۱۰۰ ng/ul می باشد.
- ۳- همراه نمونه تصویر ژل نیز ارسال گردد. ژلها ابتدا بررسی می شوند و وجود هر گونه مشکل در ارتباط با کیفیت و اختصاصیت محصول تکثیر شده به مشتریان محترم اعلام خواهد شد.
- ۴- به منظور حذف پرایمرها و نوکلئوتیدهای اضافی و مصرف نشده تمامی نمونه های دریافتی توسط شرکت به روش ستونی یا با اضافه کردن آنزیم اگزو سب تخلیص می گردند.
- ۵- در صورت وجود باند اضافه در الکتروفورز حتما نمونه ها باید خالص سازی شوند. در این موارد تعیین توالی تنها با موافقت محقق صورت می گیرد. در این موارد شرکت در خصوص کیفیت نامناسب نتایج هیچ گونه مسوولیتی نخواهد داشت.
- ۶- نیازی به ارسال پرایمرهای universal به شرکت نمی باشد و از لیست پیوست قابل انتخاب هستند.
- ۷- نام هر نمونه به تفکیک در قسمت template name در فرم و همان نام بدون هیچ تغییری بر روی میکروتیوب ارسالی ذکر شود و برای پرهیز از پاک شدن نام نمونه بر روی میکروتیوب چسب زده شود.
- ۸- نام پرایمری که برای خوانش هر نمونه استفاده می گردد در قسمت primer name در مقابل نام نمونه مربوطه در فرم درج گردد و همان نام بدون هیچ تغییری بر روی میکروتیوب ارسالی ذکر شود و برای پرهیز از پاک شدن نام پرایمر بر روی میکروتیوب چسب زده شود.
- ۹- در صد GC هر نمونه در ستون مقابل آن ذکر شود. GC مناسب بین ۴۰-۶۰ درصد می باشد.
- ۱۰- حجم یا غلظت هر نمونه در قسمت مربوطه وارد شود.
- ۱۱- غلظت پرایمرهای ارسالی ۱۰ پیکومول در میلی لیتر باشد و ترجیحا از استوک اصلی جدا شود و به ازای هر نمونه برای خوانش ۱۰ میکرولیتر ارسال شود.
- ۱۲- نمونه های ارسالی و پرایمرها ترجیحا در میکروتیوب های 0.5 ارسال شود و درب میکروتیوب ها با پارافیلیم پوشانده شود.
- ۱۳- بررسی درخواست reseq نمونه ها، تنها تا پنج روز کاری از زمان ارسال نتایج امکان پذیر می باشد.

۱۴- به منظور عدم تکرار نتایج سکانس حتما عکس ژل نمونه ها ارسال شود. در غیر اینصورت در صورت عدم جواب مناسب

در reseq نمونه ها ، هزینه خوانش درخواست می شود.

۱۵- درخواست reseq در فایل جداگانه ارسال شود.

فهرست پرایمرهای UNIVERSAL

No	Primer Name	Sequence (5'→ 3')	Base
1	Bluescript SK	CGCTCTAGAACTAGTGGATC	20
2	EBV-RP	GTGGTTTGTCCAAACTCATC	20
3	KAN2-FP	ACCTACAACAAAGCTCTCATCAACC	25
4	KAN2-RP	GCAATGTAACATCAGAGATTTTGAG	25
5	M13-FP	TGTAACGACGGCCAGT	18
6	pBacPAC-RP	GTCTGTAAATCAACAACGC	19
7	pBAD-FP	ATGCCATAGCATTTCATCC	20
8	pDONOR-FP	TAACGCTAGCATGGATCTC	19
9	pEGFP_N	CCGTCCAGCTCGACCAG	17
10	pEGFP-FP	TTTAGTGAACCGTCAGATC	19
11	pEGFP-RP	AACAGCTCCTCGCCCTTG	18
12	pESP-RP	TCCAAAAGAAGTCGAGTGG	19
13	pET-24a	GGGTTATGCTAGTTATTGCTCAG	23
14	pET-RP	CTAGTTATTGCTCAGCGG	18
15	pMalE	TCAGACTGTGATGAAGC	18
16	pREP-fwd	GCTCGATACAATAAACGCC	19
17	35S-A	AAGGGTCTTGCGAAGGATAG	20
18	35S-B	AGTGGAAGGAAGGTGGCT	20
19	AD Reverse	AGATGGTGCACGATGCACAG	20
20	CYC1 Reverse	GCGTGAATGTAAGCGTGAC	19
21	DsRed1-C	AGCTGGACATCACCTCCCACAACG	24
22	DsRed1-N	GTACTGGAAGTGGGGGACAG	21
23	EGFP-C	CATGGTCCTGCTGGAGTTCGTG	22
24	EGFP-N	CGTCGCCGTCCAGCTCGACCAG	22

25	GAL1 Forward	AATATACCTCTATACTTTAACGTC	24
26	U-19mer Primer	GTTTTCCCAGTCACGACGT	19
27	T7 EEV	ATGTCGTAATAACCCCGCCCCG	22
28	Bluescript KS	TCGAGGTCGACGGTATC	17
29	pFastBac Forward	GGATTATTCATACCGTCCCA	20
30	pFastBac Reverse	CAAATGTGGTATGGCTGATT	20
31	AOX1 Forward	GACTGGTTCCAATTGACAAGC	21
32	AOX1 Reverse	GCAAATGGCATTCTGACATCC	21
33	a-Factor	TACTATTGCCAGCATTGCTGC	21
34	S-Tag 18mer Primer	GAACGCCAGCACATGGAC	18
35	MT Forward	CATCTCAGTGCAACTAAA	18
36	QE Promoter	CCGAAAAGTGCCACCTG	17
37	pRH Forward	CTGTCTCTATACTCCCCTATAG	22
38	pRH Reverse	CAAATTCAATAGTTACTATCGC	23
39	SV40-pArev	CCTCTACAAATGTGGTATGG	20
40	SV40-Promoter	GCCCCTAACTCCGCCCATCC	20
41	pTrcHis Forward	GAGGTATATATTAATGTATCG	21
42	ITS1	TCCGTAGGTGAACCTGCGG	19
43	ITS2	GCTGCGTTCTTCATCGATGC	20
44	ITS3	GCATCGATGAAGAACGCAGC	20
45	ITS4	TCCTCCGCTTATTGATATGC	20
46	ITS5	GGAAGTAAAAGTCGTAACAAGG	22